

ロジスティック回帰 (1)

- Q4 と Q10 の関係には年齢と性別の影響が両方ある（年齢と性別は Q4 と Q10 の関係を交絡している）
- 年齢と性別と Q10 を独立変数、Q4 を従属変数としてロジスティック回帰分析
- 年齢と性別の影響を調整して、
 - Q10 が TRUE の人（いつも / 大体 / 時々公共交通利用 = 公共交通利用者）は
 - Q10 が FALSE の人（公共交通利用がたまに / 皆無 = マイカー族）に比べて、
 - どれくらい Q4 が TRUE である（いつも / 大体 / 時々 買い物袋持参 = エコバッグ派である）割合が高いかわかる

ロジスティック回帰 (3)

```
R のコード
x <- read.delim("http://minato.sip21c.org/advanced-statistics/ecopx.txt") # 読み込み
x$Q04c <- ifelse(x$Q04>=2.5, 1, 0) # スコアなので 1/0 に変換
x$Q10c <- ifelse(x$Q10>=4.8, 1, 0) # スコアなので 1/0 に変換
res <- glm(Q04c ~ Q10c+AGE+SEX, family=binomial(logit), data=x) # ロジスティック回帰
summary(res) # 回帰分析の結果を出力
exp(coef(res)) # 対数オッズ比なので係数の exp() をとってオッズ比を得る
exp(confint(res)) # 信頼区間の exp() をとってオッズ比の 95% 信頼区間を得る
library(fmsb) # fmsb パッケージを読み込む
NagelkerkeR2(res) # モデルの説明力を示す Nagelkerke の R2 の計算
• 出力結果 Estimate Std. Error z value Pr(>|z|)
(Intercept) -0.5479 0.3232 -1.695 0.09006
Q10c 1.3036 0.2886 4.517 6.28e-06 ← 6.28×10-6 の意味
AGE -0.1864 0.1106 -1.685 0.09202
SEX 0.7565 0.2751 2.750 0.00596
AIC: 391.21
(Intercept) Q10c AGE SEX
0.5781719 3.6826760 0.8299727 2.1308305
2.5 % 97.5 %
(Intercept) 0.3032334 1.081392
Q10c 2.1093893 6.560746
AGE 0.6667677 1.030981
SEX 1.2550376 3.700273
$R2 [1] 0.1333421 ← モデルの説明力は 13% 程度
```

ロジスティック回帰 (2)

- Q4 が TRUE である割合を p とすると、
 $\log(p/(1-p)) = \beta_0 + \beta_1 \text{AGE} + \beta_2 \text{SEX} + \beta_3 \text{Q10}$
- TRUE を 1, FALSE を 0 とすると、他の変数を調整した上での Q10 の効果は、
 - Q10 が TRUE の場合の Q4 が TRUE である割合を p_1 とすれば、
 $\log(p_1/(1-p_1)) = \beta_0 + \beta_1 \text{AGE} + \beta_2 \text{SEX} + \beta_3$
 - Q10 が FALSE の場合の Q4 が TRUE である割合を p_0 とすれば、
 $\log(p_0/(1-p_0)) = \beta_0 + \beta_1 \text{AGE} + \beta_2 \text{SEX}$
 - 辺々引けば $\log(p_1/(1-p_1)) - \log(p_0/(1-p_0)) = \beta_3$
 - 結局この左辺は、 $\log[(p_1/(1-p_1))/(p_0/(1-p_0))] = \beta_3$ となる。これは対数オッズ比である。つまり、AGE と SEX の影響を調整した上で Q10 が TRUE である人は FALSE の人に比べて、 $\exp(\beta_3)$ 倍、Q4 が TRUE になりやすい
 - 「性別と年齢の影響を調整した上で、公共交通利用者はマイカー族に比べて、エコバッグ派である可能性が $\exp(\beta_3)$ 倍大きい」ということである。 $\beta_0 \sim \beta_3$ は、一般化線型モデルの係数として推定される。

症例数とパワー計算 (1)

- 「エビデンスベーストヘルスケア特講 I」テキスト第 4 章を参照
<http://minato.sip21c.org/ebhc-text.pdf>
- 例えば独立 2 群の平均値の差の t 検定をする場合
 - 標準偏差、意味のある差、 α エラー、 β エラーを決めればサンプルサイズを計算できる

$$n = 2(z_{\alpha/2} - z_{1-\beta})^2 SD^2 / d^2 + z_{\alpha/2}^2 / 4$$
 ⇔ サンプルサイズ、標準偏差、実際の差、 α エラーがわかれれば β エラーがわかる → $1 - \beta$ エラーとして検出力も

$$z_{1-\beta} = z_{\alpha/2} - \sqrt{\frac{(n - z_{\alpha/2}^2 / 4) \cdot d^2}{2 \cdot SD^2}}$$
 - パワーアクションとは検出力を求ること。
 - 他の条件が同じなら、サンプルサイズが大きいほど検出力は上がる

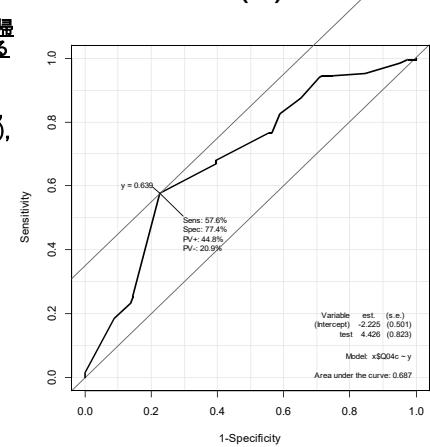
多重検定 (1)

- 「エビデンスベーストヘルスケア特講 I」テキスト第 9 章を参照
- 多重比較の方法は多数あるが、有名なのは、ポンフェローニ (Bonferroni) の方法、ホルム (Holm) の方法、シェフエ (Scheffé) の方法、テューキー (Tukey) の HSD、ダネット (Dunnett) の方法、ウィリアムズ (Williams) の方法である。最近は、FDR (False Discovery Rate) 法も良く使われるようになった。
- ポンフェローニの方法とシェフエの方法は検出力が悪いので、特別な場合を除いては使わない方が良い
- 平均値の差の多重比較ならテューキーの HSD (R では TukeyHSD() 関数を使う)、その他の場合はホルムの方法か FDR 法が薦められる
- R の pairwise.t.test() や pairwise.prop.test() や fmsb パッケージの pairwise.fisher.test() などでは、p.adjust.method="fdr" のようなオプションとして検定の多重性の調整方法を指定する

ロジスティック回帰 (4)

- 得られたロジスティック回帰式を使って Q04c を予測するための ROC 分析


```
y <- predict(res,
data.frame(Q10c=x$Q10c,
AGE=x$AGE, SEX=x$SEX),
"response")
library(Epi)
ROC(y, x$Q04c)
```
- 最適カットオフ 0.639, 感度 0.576, 特異度 0.774
- AUC は 0.687 (あまり良くない)

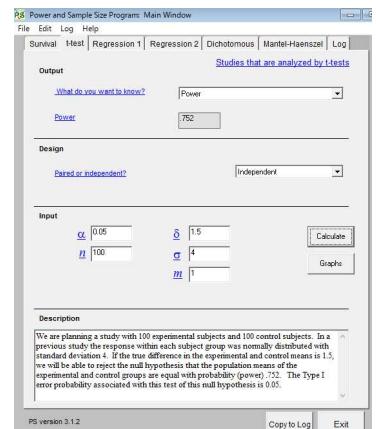


症例数とパワー計算 (2) 計算例

- 独立 2 群間の両側 t 検定をして、サンプルサイズが各群 100 人、平均値の差が 1.5、標準偏差が 4 で、有意水準が 0.05 の場合、
- PS によれば(右図)検出力は 0.752
- R では


```
power.t.test(n=100, delta=1.5,
sd=4, sig.level=0.05,
type="two.sample",
alternative="two.sided")
```

 と打てば、power=0.7513...
- EZR では 0.755 となる
- 小数点以下 3 衡目が微妙に違うが気にしなくて良い



多重検定 (2) 実行例

- R の組み込みデータ（6 週間異なる餌で飼育した後のヒヨコ体重 chickwts : 変数 feed が餌、変数 weight が体重）を分析
- 一元配置分散分析で feed の weight への効果是有意
- EZR ではファイル>パッケージに含まれるデータを読み込む> datasets の chickwts を選択し、統計解析>連続変数の解析>3 群間の間の平均値の比較と選び、右上画面でオプション選択
- Tukey の場合右下の図が表示される→中央の縦棒が「差がゼロ」の線。95% 同時信頼区間がそこにつかってない組合せが 5% 水準で「有意差あり」
- # R では Tukey は


```
res <- TukeyHSD(aov(weight~feed,
data=chickwts))
plot(res)
```

 print(res) # 多重性調整済 p 値表示
 # 他は（調整法は“内に指定”）
 pairwise.t.test(chickwts\$weight,
chickwts\$feed, p.adjust.method="fdr")
 # 行列形式で 2 つずつの餌の組合せについて検定の多重性調整済 p 値が表示される

